

ผลการศึกษาการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์ไข้หวัดใหญ่

ระหว่าง เดือน มกราคม ถึง กรกฎาคม 2556

ด้วยวิธี HI และ gene sequencing

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ ได้สุ่มตัวอย่างเชื้อไข้หวัดใหญ่ที่แยกได้ในระบบเฝ้าระวังของกรมวิทยาศาสตร์การแพทย์และระบบบริการตรวจวิเคราะห์ทางห้องปฏิบัติการระหว่าง เดือน มกราคม ถึง กรกฎาคม 2556 มาศึกษาการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์ โดยเปรียบเทียบกับสายพันธุ์วัคซีนที่องค์การอนามัยโลกประกาศใช้ ซึ่งขณะนี้วัคซีนที่องค์การอนามัยโลกประกาศใช้สำหรับทางซีกโลกเหนือ ปี2556-2557 เมื่อวันที่ 21 กุมภาพันธ์ 2556 สายพันธุ์ A (H3N2) และ A(H1N1)pdm09 ยังคงเหมือนองค์ประกอบเดิมของปี 2555-2556 ยกเว้นไข้หวัดใหญ่ชนิด B ได้เปลี่ยนจาก B/Wisconsin/01/2010 มาเป็น B/Massachusetts/2/2012 แล้ว แม้ว่าไวรัสทั้ง 2 สายพันธุ์จะจัดอยู่กลุ่มเดียวกันคือ Yamagata lineage แต่ยังคงมีความแตกต่างของ HA ยีนอยู่บางส่วน โดย B/Wisconsin/01/2010 จัดอยู่ใน clade 3 และ B/Massachusetts/2/2012 จัด clade 2 แต่เนื่องจากขณะนี้ reference anti-serum ต่อ B/Wisconsin/01/2010 มีปฏิกิริยากับ B/Massachusetts/2/2012 ได้ดีด้วยวิธี HI ดังนั้นจึงไม่สามารถแยกความแตกต่างทางแอนติเจนได้ จึงจำเป็นต้องใช้วิธี gene sequencing จำแนก แต่องค์การอนามัยโลกได้แจ้งว่า reference anti-serum ต่อ B/Massachusetts/2/2012 มีปฏิกิริยาข้ามพวกกับ B/Wisconsin/01/2010 เพียงเล็กน้อยจึงสามารถแยกความแตกต่างได้ ซึ่ง reference anti-serum ต่อ B/Massachusetts/2/2012 องค์การอนามัยโลกกำลังผลิตเพื่อแจกจ่ายให้ห้องปฏิบัติการเครือข่ายทั่วโลกอยู่

สายพันธุ์ที่แยกได้ในประเทศไทยระหว่าง มกราคม ถึง กรกฎาคม 2556					
A(H1N1)pdm09	ร้อยละ	A (H3N2)	ร้อยละ	B	ร้อยละ
A/California/07/2009 (H1N1)	100.00	A/Victoria/361/2011(H3N2)	100.00	B/Brisbane/60/2008* (Victoria lineage)	16.66%
				B/Wisconsin/01/2010 (Yamagata lineage)	60.41%
				B/Massachusetts/2/2012 (Yamagata lineage)	22.93%

หมายเหตุ : * หมายถึงสายพันธุ์ที่ระบาดและไม่ตรงกับสายพันธุ์วัคซีนทั้งซีกโลกเหนือและซีกโลกใต้ที่ประกาศใช้ในขณะนี้

