ผลการศึกษาการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์ไข้หวัดใหญ่

ด้วยวิธี HI และ gene sequencing

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ ได้สุ่มตัวอย่างเชื้อไข้หวัดใหญ่ที่แยกได้ในระบบเฝ้าระวังของกรมวิทยาศาสตร์การแพทย์และระบบบริการตรวจวิเคราะห์ทางห้องปฏิบัติการระหว่าง เดือนมกราคม ถึง มีนาคม 2555 มาศึกษาการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์ พบว่าตัวแทนของเชื้อไข้หวัดใหญ่ที่แยกได้ มีความคล้ายคลึงกับสายพันธุ์วัคซีนที่ องค์การอนามัยโลกประกาศใช้ทั้งทางซีกโลกเหนือและใต้ ซึ่งในปีนี้สายพันธุ์วัคซีนทั้งสองยังคงตรงกัน โดยสายพันธุ์ที่แยกได้มีสัดส่วนดังนี้

สายพันธุ์ที่แยกได้ในประเทศไทยระหว่าง มกราคม – มีนาคม 2555					
A(H1N1)pdm09	**ร้อยละ**	**A (H3N2)**	**ร้อยละ**	**B**	**ร้อยละ**
A/California/07/2009 (H1N1)	**100.00**	A/Perth/16/2009 (H3N2)	**100.00**	B/Brisbane/60/2008 (Victoria lineage)	**89.36%**
				B/Florida/60/2008 (Yamagata lineage)	**4.26%**
				B/Wisconsin/01/2010 (Yamagata lineage)	**6.38%**

- **สายพันธุ์วัคซีนที่ประกาศใช้ทางซีกโลกเหนือ**

Recommended viruses for influenza vaccines for use in the 2012-2013 northern hemisphere influenza season

It is recommended that the following viruses be used for influenza vaccines in the 2012-2013 influenza season (northern hemisphere) contain the following:

- an A/California/7/2009 (H1N1)pdm09-like virus
- an A/Victoria/361/2011 (H3N2)-like virus
- a B/Wisconsin/1/2010-like virus

- **สายพันธุ์วัคซีนที่ประกาศใช้ทางซีกโลกใต้**

Recommended composition of influenza virus vaccines for use in the 2012 southern hemisphere influenza season

It is recommended that vaccines for use in the 2012 influenza season (southern hemisphere) contain the following:

- an A/California/7/2009 (H1N1)pdm09-like virus
- an A/Perth/16/2009 (H3N2)-like virus
- a B/Brisbane/60/2008-like virus

A/California/7/2009 (H1N1)pdm09-like virus is the pandemic A(H1N1) 2009 influenza virus.