

รายงานการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์ไข้หวัดใหญ่ระหว่าง 1 ม.ค. – 31 ม.ค. 2563
โดย ศูนย์ไข้หวัดใหญ่แห่งชาติ สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์

โครงการ “การศึกษาสายพันธุ์ไข้หวัดใหญ่เพื่อการเตรียมความพร้อมรับมือไข้หวัดใหญ่ระบาดใหญ่ (Study of Influenza strains for supporting of Pandemic Influenza Preparedness Planning)” ซึ่งได้รับทุนสนับสนุนจากสถาบันวัคซีนแห่งชาติ (องค์การมหาชน) ได้สุ่มตัวอย่างจากผู้ป่วยที่มีอาการคล้ายไข้หวัดใหญ่ (ILI) ผู้ป่วยที่มีอาการรุนแรง ปอดบวม ปอดอักเสบ (SARI) จากระบบเฝ้าระวังโรคไข้หวัดใหญ่และไข้หวัดนก โดยกระทรวงสาธารณสุข ระหว่างเดือน 1 ม.ค. – 31 ม.ค. 2563 ผลจากการศึกษาการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์ ด้วยวิธี Gene sequencing พบว่าตัวแทนของเชื้อไข้หวัดใหญ่ที่แยกได้ เมื่อเปรียบเทียบกับสายพันธุ์วัคซีนที่ประชากรได้รับเมื่อปีที่ผ่านมา มีสัดส่วนลดลงอย่างชัดเจนและมีแนวโน้มที่จะเปลี่ยนเป็นสายพันธุ์ที่องค์การอนามัยโลกประกาศใช้เป็นองค์ประกอบสำหรับประเทศทางซีกโลกใต้สำหรับปี 2563

สายพันธุ์ที่แยกได้ในประเทศไทยระหว่างเดือน 1 ม.ค. – 31 ม.ค. 2563					
pdmA(H1N1)	ร้อยละ	A (H3N2)	ร้อยละ	B	ร้อยละ
A/Michigan/45/2015 (H1N1)pdm09	0.0	A/Switzerland/8060/2017 (H3N2)	0.0	B/Colorado/06/2017 (2 aa deletion in HA) (Victoria lineage)	0.0
A/Brisbane/02/2018 (H1N1)pdm09	100.00	A/SouthAustralia/34/2019 (H3N2)	100.00	B/Washington/02/2019 (3 aa deletion in HA) (Victoria lineage)	100.00
				B/Phuket/3073/2013 (Yamagata lineage)	0.0

โดยสายพันธุ์วัคซีนป้องกันไข้หวัดใหญ่แบบ Trivalent ที่กระทรวงสาธารณสุขฉีดให้กลุ่มเป้าหมายในเดือนมิถุนายน 2563 เป็นวัคซีนที่ใช้สำหรับประเทศทางซีกโลกใต้ประกอบด้วยเชื้อ 3 สายพันธุ์คือ

- an A/Brisbane/02/2018 (H1N1)pdm09-like virus;
- an A/South Australia/34/2019 (H3N2)-like virus;
- a B/Washington/02/2019-like (B/Victoria lineage) virus

เอกสารอ้างอิง

1.Recommended composition of influenza virus vaccines for use in the 2020 southern hemisphere influenza season
http://www.who.int/influenza/vaccines/virus/recommendations/2020_south/en/

