

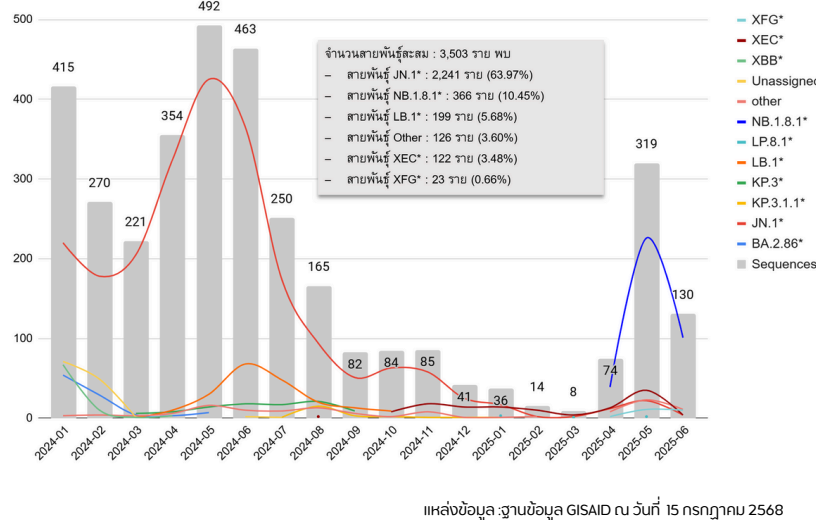
สถานการณ์ สายพันธุ์เชื้อไวรัส SARS-CoV-2 ในประเทศไทย

องค์การอนามัยโลกยังคงให้ความสำคัญกับการติดตามเชื้อไวรัส SARS-CoV-2 กลุ่ม Omicron จำนวน 8 สายพันธุ์ จากข้อมูลความชุกและตำแหน่งการกลายพันธุ์ที่เป็นปัจจัยส่งผลต่อความสามารถในการแพร่เชื้อ ได้แก่

- » **สายพันธุ์ที่เฝ้าระวัง** หรือ Variants of Interest (VOI) จำนวน 1 สายพันธุ์ ได้แก่ JN.1*
- » **สายพันธุ์ที่ต้องจับตามอง** หรือ Variants under monitoring (VUM) จำนวน 7 สายพันธุ์ ได้แก่ KP.3*, KP.3.1.1*, LB.1*, XEC*, LP.8.1*, NB.1.8.1* และ XFG* (Recombinant LF.7 และ LP.8.1.2)

XFG : สายพันธุ์ลูกผสมของ LF.7 และ LP.8.1.2

- » มีการกลายพันธุ์บนโปรตีนหนามจากสายพันธุ์ JN.1 ได้แก่ T22N, S31P, K182R, R190S, R346T, K444R, V445R, F456L, N487D, Q493E, T572I
- » พบครั้งแรกเมื่อวันที่ 27 มกราคม 2568
- » สายพันธุ์ XFG ถูกระบุเป็นสายพันธุ์ที่ต้องจับตามอง (VUM) เมื่อวันที่ 25 มิถุนายน 2568
- » ปัจจุบันพบใน 38 ประเทศ ทั่วโลก และมีการตรวจพบที่สัดส่วนร้อยละ 22.7 จากสายพันธุ์ที่พบทั้งหมด (อ้างอิงข้อมูลจาก GISAID ณ วันที่ 22 มิถุนายน 2568)
- » อาการและความรุนแรง คล้ายกับโควิด-19 สายพันธุ์อื่นๆ เช่น ไข้ ไอ เจ็บคอ ทั้งนี้ความรุนแรงขึ้นอยู่กับแต่ละบุคคล



สถานการณ์สายพันธุ์โอไมครอนในประเทศไทย

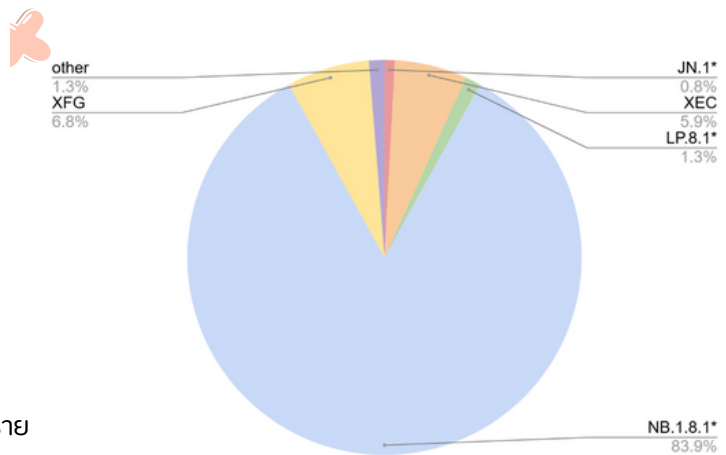
ระหว่างวันที่ 26 พฤษภาคม ถึง 23 มิถุนายน 2568 จำนวน 236 ราย พบ

- » สายพันธุ์ NB.1.8.1* จำนวน 198 ราย คิดเป็นสัดส่วนร้อยละ 83.9
- » สายพันธุ์ XFG* จำนวน 16 ราย คิดเป็นสัดส่วนร้อยละ 6.8
- » สายพันธุ์ XEC* จำนวน 39 ราย คิดเป็นสัดส่วนร้อยละ 13.7
- » สายพันธุ์ JN.1*, LP.8.1* และสายพันธุ์อื่นๆ พบจำนวนสายพันธุ์ละ 2, 3 และ 3 ราย โดยคิดเป็นสัดส่วนร้อยละ 0.8, 1.3 และ 1.3 ตามลำดับ

สถานการณ์สายพันธุ์โอไมครอนในประเทศไทย

ตั้งแต่วันที่ 1 มกราคม 2568 – 28 มิถุนายน 2568
มีจำนวนสายพันธุ์สะสม 3,503 ราย พบ

- » JN.1* : พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 2,241 ราย (63.97%)
- » LB.1* : พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 199 ราย (5.68%)
- » NB.1.8.1* : พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 366 ราย (10.45%)
- » XEC* : พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 122 ราย (3.48%)



หมายเหตุ: ข้อมูลการจัดกลุ่มสายพันธุ์ อ้างอิงจากผลการวิเคราะห์ด้วยระบบ NEXTCLADE ณ วันที่วิเคราะห์ 27 มิถุนายน 2568

กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ ร่วมมือกับเครือข่ายห้องปฏิบัติการเฝ้าระวังการเปลี่ยนแปลงสายพันธุ์อย่างต่อเนื่องและการเผยแพร่ผ่านฐานข้อมูลสากล GISAID อย่างสม่ำเสมอ ปัจจุบันไทยเผยแพร่จีโนมสะสม 48,776 ราย นับตั้งแต่เริ่มสถานการณ์ระบาดโควิด 19 ในประเทศไทย เดือน มกราคม 2563 ถึง 16 กรกฎาคม 2568