

สถานการณ์

เชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่
ในประเทศไทย 2568

ไข้หวัดใหญ่ มักพบการแพร่กระจายของโรคไข้หวัดใหญ่ ในเขตซีกโลกเหนือและซีกโลกใต้
ระดับสูงสุดในช่วงฤดูหนาว

สถานการณ์ทั่วโลก

การระบาดของเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ทั่วโลก
ในปัจจุบัน พบไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H3N2) ร้อย
ละ 40.18 มากกว่าชนิด A(H1N1)pdm09 ที่พบ
ร้อยละ 34.73 และชนิด B กลุ่ม Victoria ร้อย
ละ 24.84 ตามลำดับ

สถานการณ์ในประเทศไทย

การระบาดของเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ใน
ประเทศไทยปัจจุบัน พบไข้หวัดใหญ่ชนิด A/
H1N1 (pdm09) มากที่สุดคิดเป็นสัดส่วน ร้อย
ละ 41.55 รองลงมาคือไข้หวัดใหญ่ชนิด B
(Victoria) ร้อยละ 32.80 ในขณะที่ไข้หวัด
ใหญ่ชนิด A(H3N2) มีสัดส่วนร้อยละ 25.66
ตามลำดับ

ผลการวิเคราะห์การกลายพันธุ์ของยีน Neuraminidase
(NA) จากเชื้อไข้หวัดใหญ่ ประจำเดือนมีนาคม 2568
จำนวน 130 ตัวอย่าง พบว่า

ในเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด A/H3 ไม่พบการกลาย
พันธุ์ที่บ่งชี้ถึงการดื้อยา และเชื่อยังคงตอบสนองต่อ
ยาต้านไวรัสได้ดี ส่วนในเชื้อชนิด A(H1N1)pdm09
ไม่พบการกลายพันธุ์ที่ตำแหน่ง H275Y ซึ่งบ่งชี้ถึง
การดื้อยาโอเซลทามิเวียร์ แต่สถานการณ์การดื้อยา
ยังคงควบคุมได้ เนื่องจากยังพบได้ไม่บ่อย สุดท้าย
ในเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด B ไม่พบการกลายพันธุ์ที่บ่งชี้
ถึงการดื้อยา และสายพันธุ์นี้ยังคงตอบสนองต่อการ
รักษาได้ตามปกติ

สายพันธุ์วัคซีนโลกใต้ vs สายพันธุ์ที่พบใน
ประเทศไทย

ประจำเดือนมีนาคม 2025

สายพันธุ์วัคซีนซีกโลกใต้ 2025	สายพันธุ์ที่พบในประเทศไทย มีนาคม 2025	สัดส่วนที่พบ (ร้อยละ)
A/Victoria/4897/2022 (H1N1)pdm09-like virus (6B.1A.5a.2a.1)	A/Victoria/4897/2022 (H1N1)pdm09-like virus (6B.1A.5a.2a.1)	46.45
A/Croatia/10136RV/2023-like virus (3C.2a1b.2a.2a.3a.1)	A/Sydney/5/2021(H1N1) pdm09-like virus (6B.1A.5a.2a)	53.55
B/Austria/1359417/2021 (B/Victoria lineage)-like virus	A/Croatia/10136RV/2023-like virus (3C.2a1b.2a.2a.3a.1)	100
	B/Austria/1359417/2021 (B/Victoria lineage)-like virus	100

การเฝ้าระวังการกลายพันธุ์ของเชื้อไข้หวัดใหญ่มีความสำคัญอย่างต่อเนื่อง เพื่อป้องกันการดื้อยาและ
เพิ่มประสิทธิภาพในการรักษาและป้องกันโรค ปัจจุบันสถานการณ์ยังคงอยู่ในระดับที่ควบคุมได้ และการเฝ้า
ระวังอย่างต่อเนื่องจะช่วยให้สามารถควบคุมการแพร่ระบาดและปรับมาตรการการรักษาได้อย่างเหมาะสม