

สถานการณ์

เชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่

ในประเทศไทย 2568

โรคไข้หวัดใหญ่พบการแพร่กระจายทั้งในซีกโลกเหนือและซีกโลกใต้ โดยพบการระบาดสูงสุดในช่วงฤดูหนาว

สถานการณ์ทั่วโลก

ปัจจุบันทั่วโลกพบเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่มีการแพร่ระบาด 3 ชนิด ได้แก่

- ชนิด A(H1N1)pmd09 ร้อยละ 35.57
- ชนิด A(H3N2) ร้อยละ 33.60
- ชนิด B กลุ่ม Victoria ร้อยละ 30.43

สถานการณ์ในประเทศไทย

การระบาดของเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ในประเทศไทยปัจจุบัน พบไข้หวัดใหญ่ A/H1N1(pdm09) มากที่สุดคิดเป็น ร้อยละ 42.02 รองลงมาคือ ไข้หวัดใหญ่ B (Victoria) ร้อยละ 32.67 ในขณะที่ ไข้หวัดใหญ่ A(H3N2) มีสัดส่วนร้อยละ 25.31 ตามลำดับ

ผลการวิเคราะห์การกลายพันธุ์ของยีน Neuraminidase (NA) จากเชื้อไข้หวัดใหญ่ ประจำเดือนเมษายน 2568 จำนวน 72 ตัวอย่าง พบว่า

ในเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด A/H3 ไม่พบการกลายพันธุ์ที่บ่งชี้ถึงการดื้อยา และเชื่อยังคงตอบสนองต่อ ยาต้านไวรัสได้ดี ส่วนในเชื้อชนิด A(H1N1)pdm09 ไม่พบการกลายพันธุ์ที่ตำแหน่ง H275Y ซึ่งบ่งชี้ถึงการดื้อยาโอเซลทามิเวียร์ แต่สถานการณ์การดื้อยา ยังคงควบคุมได้ เนื่องจากยังพบได้ไม่บ่อย สุดท้าย ในเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด B ไม่พบการกลายพันธุ์ที่บ่งชี้ถึงการดื้อยา และสายพันธุ์นี้ยังคงตอบสนองต่อการ รักษาได้ตามปกติ

สายพันธุ์วัคซีนโลกใต้ vs สายพันธุ์ที่พบในประเทศไทย

ประจำเดือนเมษายน 2025

สายพันธุ์วัคซีนซีกโลกใต้ 2025	สายพันธุ์ที่พบในประเทศไทย เมษายน 2025	สัดส่วนที่พบ (ร้อยละ)
• A/Victoria/4897/2022 (H1N1)pdm09-like virus (6B.1A.5a.2a.1)	• A/Victoria/4897/2022 (H1N1)pdm09-like virus (6B.1A.5a.2a.1)	50.92
• A/Croatia/10136RV/2023-like virus (3C.2a1b.2a.2a.3a.1)	• A/Sydney/5/2021(H1N1) pdm09-like virus (6B.1A.5a.2a)	49.08
• B/Austria/1359417/2021 (B/Victoria lineage)-like virus	• A/Croatia/10136RV/2023-like virus (3C.2a1b.2a.2a.3a.1)	100
	• B/Austria/1359417/2021 (B/Victoria lineage)-like virus	100



การเฝ้าระวังการกลายพันธุ์ของเชื้อไข้หวัดใหญ่มีความสำคัญอย่างต่อเนื่อง เพื่อป้องกันการดื้อยาและเพิ่มประสิทธิภาพในการรักษาและป้องกันโรค ปัจจุบันสถานการณ์ยังคงอยู่ในระดับที่ควบคุมได้ และการเฝ้าระวังอย่างต่อเนื่องจะช่วยให้สามารถควบคุมการแพร่ระบาดและปรับมาตรการการรักษาได้อย่างเหมาะสม