

สถานการณ์เชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ในประเทศไทย ประจำเดือน กันยายน 2568

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข

กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ กระทรวงสาธารณสุข

อัตลักษณ์ สวส.

สามัคคี

มีวินัย

ซื่อสัตย์

รับผิดชอบต่อสังคม

สถานการณ์ในประเทศไทย

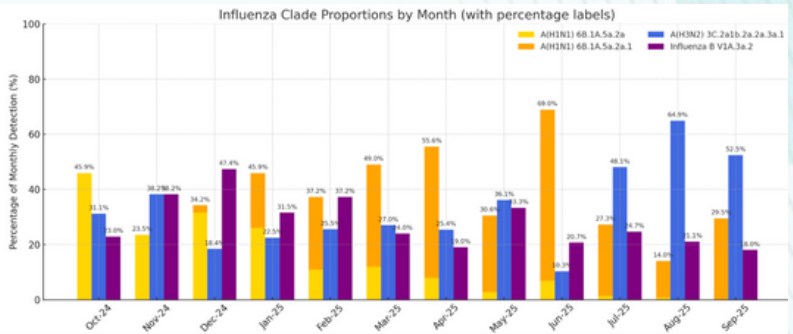
ประเทศไทยมีการเฝ้าระวังเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่โดยเก็บตัวอย่างจากผู้ป่วย ระหว่างเดือนตุลาคม 2567 ถึงกันยายน 2568 รวมทั้งสิ้น 8,531 ราย ผลตรวจพบเชื้อไข้หวัดใหญ่ 1,286 ราย คิดเป็นร้อยละ 15.07 โดยแยกเป็นชนิด

- A(H1N1)pdm09 จำนวน 494 ราย (ร้อยละ 38.41)
- A(H3N2) จำนวน 442 ราย (ร้อยละ 34.37)
- B/Victoria lineage จำนวน 352 ราย (ร้อยละ 27.22)

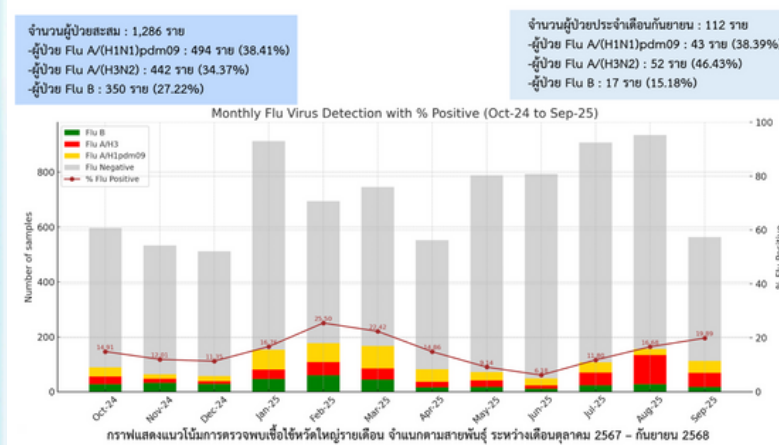
เฉพาะในเดือนกันยายน 2568 มีตัวอย่างผู้ป่วยจำนวน 563 ราย ผลตรวจพบเชื้อไข้หวัดใหญ่ 112 ราย คิดเป็นร้อยละ 19.89 โดยแยกเป็นชนิด

- A(H1N1)pdm09 จำนวน 43 ราย (ร้อยละ 38.39)
- A(H3N2) จำนวน 52 ราย (ร้อยละ 46.43)
- B/Victoria lineage จำนวน 17 ราย (ร้อยละ 15.18)

กราฟแสดงสัดส่วนสายพันธุ์กลุ่ม (clade) ของเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ที่ตรวจพบรายเดือนระหว่างเดือนตุลาคม 2567 – กันยายน 2568



กราฟแสดงแนวโน้มการตรวจพบเชื้อไข้หวัดใหญ่รายเดือน จำแนกตามสายพันธุ์ ระหว่างเดือนตุลาคม 2567 – กันยายน 2568



พบว่าสัดส่วนการตรวจพบเชื้อไข้หวัดใหญ่ (%Flu Positive) มีแนวโน้มเพิ่มสูงขึ้นในช่วงต้นปี หลังจากนั้นลดลงจนต่ำที่สุดในเดือนมิถุนายน ต่อมาสัดส่วนการตรวจพบเชื้อเพิ่มขึ้นอีกครั้ง โดยเดือนกันยายน พบสัดส่วนสูงขึ้นถึงร้อยละ 19.89 ซึ่งอาจสะท้อนถึงแนวโน้มการกลับมาระบาดของเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ในช่วงฤดูฝน

ผลการเฝ้าระวังสายพันธุ์ด้วยเทคนิค Whole Genome Sequencing

พบว่าเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H1N1)pdm09 มีความสอดคล้องกับสายพันธุ์วัคซีนสำหรับซีกโลกใต้ ปี 2568 ในสัดส่วนร้อยละ 64.49 ขณะที่เชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H3N2) และ B/Victoria lineage มีความสอดคล้องกับสายพันธุ์วัคซีนในสัดส่วนร้อยละ 100 ตามลำดับ แม้ว่าปัจจุบันเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H1N1)pdm09 มีการแพร่กระจายเป็นสองกลุ่มหลัก ได้แก่

- กลุ่ม 6B.1A.5a.2a.1 (ร้อยละ 64.49)
- กลุ่ม 6B.1A.5a.2a (ร้อยละ 35.51)

ซึ่งแสดงให้เห็นถึงการแพร่ระบาดร่วมกันของไวรัสทั้งสองกลุ่มในประชากร

1. A(H1N1)pdm09 : ตรวจพบ 2 กลุ่มหลัก ได้แก่

- 6B.1A.5a.2a : พบมากที่สุดในช่วง ต.ค.-ธ.ค. 2567
- 6B.1A.5a.2a.1 เริ่มเพิ่มขึ้นตั้งแต่ ม.ค. และกลายเป็นกลุ่มหลักตั้งแต่ เม.ย.- ก.ย. โดยในเดือน ก.ย. พบเพียงกลุ่มนี้เท่านั้น

2. A(H3N2) : ตรวจพบเพียงสายพันธุ์เดียว คือ 3C.2a1b.2a.2a.3a.1

3. B/Victoria lineage : ตรวจพบเพียงสายพันธุ์เดียว คือ V1A.3a.2

ผลการวิเคราะห์การกลายพันธุ์ของยีน Neuraminidase (NA)

จากการเฝ้าระวังพบการกลายพันธุ์ของ

เชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H1N1)pdm09

ที่ตำแหน่ง H275Y ซึ่งเกี่ยวข้องกับการ

ดื้อยาโอเซลتامิวิร์ โดยตรวจพบ 1 สาย

พันธุ์ใน เดือนตุลาคม 2567 รวมสะสมทั้งสิ้น

1 สายพันธุ์ และไม่พบการกลายพันธุ์ดื้อยาที่

ตำแหน่งอื่นในชนิด A(H1N1)pdm09, ชนิด

A(H3N2) และชนิด B/Victoria lineage

ทั้งนี้ตัวอย่างที่ทำการตรวจวิเคราะห์ ใน

เดือนกันยายน 2568 จำนวน 111 ตัวอย่าง ไม่

พบยีนที่บ่งชี้ถึง การดื้อยาต้านไวรัสแต่อย่างใด

แสดงให้เห็นว่า สถานการณ์การดื้อยายังคง

อยู่ในระดับที่สามารถควบคุมได้



สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข

<http://nih.moph.go.th>

thainih@dmsc.mail.go.th

@thailandnih

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข
กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข
Thainih

0 2951 0000

