

สถานการณ์เชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ในประเทศไทย ประจำเดือน ตุลาคม 2568

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข

กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ กระทรวงสาธารณสุข

อัครลักษณ์ สวส.

สามัคคี มีวินัย ซื่อสัตย์ รับผิดชอบ

สถานการณ์ในประเทศไทย

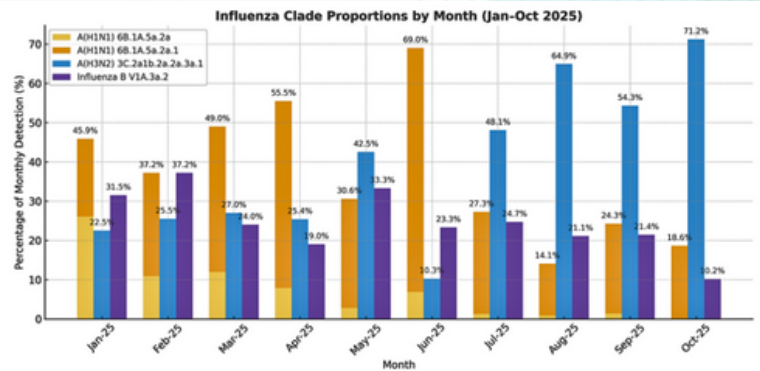
ประเทศไทยมีการเฝ้าระวังเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่โดยเก็บตัวอย่างจากผู้ป่วยระหว่างเดือนมกราคม ถึง ตุลาคม 2568 รวมทั้งสิ้น 8,056 ราย ผลตรวจพบเชื้อไข้หวัดใหญ่ 1,453 ราย คิดเป็นร้อยละ 18.04 โดยแยกเป็นชนิด

- A(H1N1)pdm09 จำนวน 494 ราย (ร้อยละ 34)
- A(H3N2) จำนวน 659 ราย (ร้อยละ 45.35)
- B/Victoria lineage จำนวน 300 ราย (ร้อยละ 20.65)

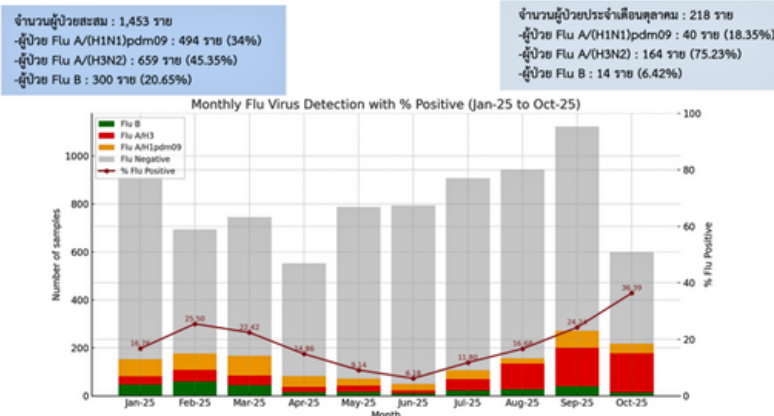
เฉพาะในเดือนตุลาคม 2568 มีตัวอย่างผู้ป่วยจำนวน 599 ราย ผลตรวจพบเชื้อไข้หวัดใหญ่ 218 ราย คิดเป็นร้อยละ 36.39 โดยแยกเป็นชนิด

- A(H1N1)pdm09 จำนวน 40 ราย (ร้อยละ 18.35)
- A(H3N2) จำนวน 164 ราย (ร้อยละ 75.23)
- B/Victoria lineage จำนวน 14 ราย (ร้อยละ 6.42)

กราฟแสดงสัดส่วนสายพันธุ์กลุ่ม (clade) ของเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ที่ตรวจพบรายเดือนระหว่างเดือนมกราคม – ตุลาคม 2568



กราฟแสดงแนวโน้มการตรวจพบเชื้อไข้หวัดใหญ่รายเดือน จำแนกตามสายพันธุ์ ระหว่างเดือนมกราคม – ตุลาคม 2568



1. A(H1N1)pdm09 : ตรวจพบ 2 กลุ่มหลัก ได้แก่

- 6B.1A.5a.2a : พบเชื้อลดลง ตั้งแต่เดือน กรกฎาคม 2568
- 6B.1A.5a.2a.1 : พบว่ามีแนวโน้มเพิ่มสูงขึ้นอย่างต่อเนื่อง ตั้งแต่เดือนเมษายน – ตุลาคม เมื่อเปรียบเทียบกับสายพันธุ์อื่น

2. A(H3N2) : ตรวจพบเพียงสายพันธุ์เดียว คือ 3C.2a1b.2a.2a.3a.1

3. B/Victoria lineage : ตรวจพบเพียงสายพันธุ์เดียว คือ VIA.3a.2

ผลการวิเคราะห์การกลายพันธุ์ของยีน Neuraminidase (NA)

จากการเฝ้าระวังการกลายพันธุ์ของเชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ตั้งแต่เดือนมกราคมถึงตุลาคม 2568 ไม่พบการกลายพันธุ์ในเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H1N1)pdm09 ที่ตำแหน่ง H275Y ซึ่งเป็นตำแหน่งที่เกี่ยวข้องกับการดื้อยาโอเซลทามิเวียร์ และไม่พบการกลายพันธุ์ที่บ่งชี้ถึงการดื้อยาที่ตำแหน่งอื่นทั้งในเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H1N1)pdm09, A(H3N2) และ B/Victoria lineage

สถานการณ์เชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ในปัจจุบันจึงยังอยู่ในระดับที่สามารถควบคุมได้และมีการเฝ้าระวังอย่างต่อเนื่อง

ผลการเฝ้าระวังสายพันธุ์ด้วยเทคนิค Whole Genome Sequencing

พบว่าเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H1N1)pdm09 มีความสอดคล้องกับสายพันธุ์วัคซีนสำหรับซีกโลกใต้ ปี 2568 ในสัดส่วนร้อยละ 77.26 ขณะที่เชื้อไวรัสไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H3N2) และ B/Victoria lineage มีความสอดคล้องกับสายพันธุ์วัคซีนในสัดส่วนร้อยละ 100 ตามลำดับ แม้ว่าปัจจุบันเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิด A(H1N1)pdm09 มีการแพร่กระจายเป็นสองกลุ่มหลัก ได้แก่

- กลุ่ม 6B.1A.5a.2a.1 (ร้อยละ 77.26)
- กลุ่ม 6B.1A.5a.2a (ร้อยละ 22.74)

ซึ่งแสดงให้เห็นถึงการแพร่ระบาดร่วมกันของไวรัสทั้งสองกลุ่มในประชากร



สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข

